

sequences listing.txt

SEQUENCES LISTING

<110> BioMérieux

<120> Method for the detection and/or identification of the original animal species in animal matter contained in a sample.

<130> B05B3851WO/ANIFRAUD

<160> 276

<170> PatentIn version 3.1

<210> 1

<211> 18

<212> DNA

<213> Anas platyrhynchos

<400> 1

ctcctactgg ctatgcac

18

<210> 2

<211> 19

<212> DNA

<213> Anas platyrhynchos

<400> 2

gtaatcctac tgctcactc

19

<210> 3

<211> 38

<212> DNA

<213> Anas platyrhynchos

<400> 3

ttcggatctc tgctcgccat ctgcctggcc acacaaat

38

<210> 4

sequences listing.txt

<211> 24

<212> DNA

<213> Anas platyrhynchos

<400> 4

gacacatccc ttgctttctc ctca

24

<210> 5

<211> 33

<212> DNA

<213> Anser anser

<400> 5

ctcccttcta gccatctgct tagccacaca aat

33

<210> 6

<211> 21

<212> DNA

<213> Anser anser

<400> 6

ccgcagacac ttcactcgcc t

21

<210> 7

<211> 25

<212> DNA

<213> Anser anser

<400> 7

caacggtgct tcgctttct ttatc

25

<210> 8

<211> 18

<212> DNA

<213> Anser anser

sequences listing.txt

<400> 8	
cacttcactc gccttctc	18
<210> 9	
<211> 16	
<212> DNA	
<213> <i>Cairina moschata</i>	
<400> 9	
aacctgcacg ccaatg	16
<210> 10	
<211> 35	
<212> DNA	
<213> <i>Cairina moschata</i>	
<400> 10	
gggtccctcc tcgccatgg cctggtcacc caaat	35
<210> 11	
<211> 17	
<212> DNA	
<213> <i>Cairina moschata</i>	
<400> 11	
gtcctgcccattt ggggaca	17
<210> 12	
<211> 22	
<212> DNA	
<213> <i>Cairina moschata</i>	
<400> 12	
ctcctactcg ccctcatggc aa	22
<210> 13	

sequences listing.txt

<211> 20

<212> DNA

<213> *Cairina moschata*

<400> 13

atccgcaacc tgcacgccaa

20

<210> 14

<211> 24

<212> DNA

<213> *Cairina moschata*

<400> 14

tcctcagtggtt ctaacacatgt tcga

24

<210> 15

<211> 17

<212> DNA

<213> *Rangifer tarandus*

<400> 15

cgagacgtca attatgg

17

<210> 16

<211> 17

<212> DNA

<213> *Rangifer tarandus*

<400> 16

atctgcttat ttataaca

17

<210> 17

<211> 17

<212> DNA

<213> *Rangifer tarandus*

sequences listing.txt

<400> 17
tcctctgtta ctcacat 17

<210> 18
<211> 17
<212> DNA
<213> Rangifer tarandus

<400> 18
tcctcttatt tacagta 17

<210> 19
<211> 27
<212> DNA
<213> Rangifer tarandus

<400> 19
aatattggag tgatcctctt atttaca 27

<210> 20
<211> 17
<212> DNA
<213> Columba palumbus

<400> 20
acacaggagt cgtcctc 17

<210> 21
<211> 16
<212> DNA
<213> Columba palumbus

<400> 21
ttgcttaactc aaatcc 16

<210> 22
Page 5

sequences listing.txt

<211> 17

<212> DNA

<213> *Columba palumbus*

<400> 22

acccttatacg ccactgc

17

<210> 23

<211> 23

<212> DNA

<213> *Columba palumbus*

<400> 23

ggcttactac tcgccccaca tta

23

<210> 24

<211> 17

<212> DNA

<213> *Columba palumbus*

<400> 24

ctaaccggct tactact

17

<210> 25

<211> 23

<212> DNA

<213> *Columba palumbus*

<400> 25

ggcatttgct tgcttaactca aat

23

<210> 26

<211> 19

<212> DNA

<213> *Acipenser baerii*

sequences listing.txt

<400> 26
ctcaactata ggcctctgc 19

<210> 27

<211> 17

<212> DNA

<213> *Acipenser baerii*

<400> 27
tggctcactc ataggcc 17

<210> 28

<211> 17

<212> DNA

<213> *Coturnix coturnix*

<400> 28
ctgcttctca cactaat 17

<210> 29

<211> 16

<212> DNA

<213> *Coturnix coturnix*

<400> 29
tcacccggcct tctact 16

<210> 30

<211> 16

<212> DNA

<213> *Coturnix coturnix*

<400> 30
tagcaatatg cctcat 16

<210> 31

sequences listing.txt

<211> 21

<212> DNA

<213> Sardina pilchardus

<400> 31
cttcggatcg cttcttggcc t

21

<210> 32

<211> 24

<212> DNA

<213> Sardina pilchardus

<400> 32
ctccttcttt tggtcatgat aact

24

<210> 33

<211> 20

<212> DNA

<213> Sardina pilchardus

<400> 33
gggcgagggc tctattatgg

20

<210> 34

<211> 17

<212> DNA

<213> Sardina pilchardus

<400> 34
attggcgag ggctcta

17

<210> 35

<211> 20

<212> DNA

<213> Sardina pilchardus

sequences listing.txt

<400> 35	
gttgtcctcc ttcttttgtt	20
<210> 36	
<211> 16	
<212> DNA	
<213> Sardina pilchardus	
<400> 36	
atggagcatc tttttt	16
<210> 37	
<211> 17	
<212> DNA	
<213> Sardina pilchardus	
<400> 37	
ttggttatgt cttacccg	17
<210> 38	
<211> 48	
<212> DNA	
<213> Sardina pilchardus	
<400> 38	
tggcctctgt ctagcggccc agattctgac agggttgttc ttagccat	48
<210> 39	
<211> 21	
<212> DNA	
<213> Sardina pilchardus	
<400> 39	
tgattcgaag tatgcacgca a	21
<210> 40	

sequences listing.txt

<211> 17

<212> DNA

<213> *Sardina pilchardus*

<400> 40

tttgtattta cgcccac

17

<210> 41

<211> 19

<212> DNA

<213> *Sardina pilchardus*

<400> 41

cctctgacat cgcaaccgc

19

<210> 42

<211> 19

<212> DNA

<213> *Anguilla anguilla*

<400> 42

ataccttac atagaaaca

19

<210> 43

<211> 16

<212> DNA

<213> *Gallus gallus*

<400> 43

gtgggctatg ttctcc

16

<210> 44

<211> 18

<212> DNA

<213> *Gallus gallus*

sequences listing.txt

<400> 44
tccctattag cagtcgtgc 18

<210> 45
<211> 19
<212> DNA
<213> *Gallus gallus*

<400> 45
tcatccggaa tctccacgc 19

<210> 46
<211> 21
<212> DNA
<213> *Gallus gallus*

<400> 46
catctgtatc ttccttcaca t 21

<210> 47
<211> 23
<212> DNA
<213> *Gallus gallus*

<400> 47
gtagcccacaca cttgcccggaa cgt 23

<210> 48
<211> 17
<212> DNA
<213> *scomber japonicus*

<400> 48
ggacttttcc tcgcaat 17

<210> 49
Page 11

sequences listing.txt

<211> 23

<212> DNA

<213> *scomber japonicus*

<400> 49

tgccctaattt ctcaaattct cac

23

<210> 50

<211> 20

<212> DNA

<213> *scomber japonicus*

<400> 50

ttcggctcac tgcttggtct

20

<210> 51

<211> 20

<212> DNA

<213> *scomber japonicus*

<400> 51

cactacaccc ccgatgttga

20

<210> 52

<211> 25

<212> DNA

<213> *scomber japonicus*

<400> 52

tcctaccttt tcatggaaac atgaa

25

<210> 53

<211> 36

<212> DNA

<213> *scomber japonicus*

sequences listing.txt

<400> 53	
accccccgtg ttgagtcagc attcgactca gtcgcc	36
<210> 54	
<211> 18	
<212> DNA	
<213> <i>Anguilla japonica</i>	
<400> 54	
tatggatgtat tcatccga	18
<210> 55	
<211> 21	
<212> DNA	
<213> <i>Anguilla japonica</i>	
<400> 55	
gatgattcat ccgaaattta c	21
<210> 56	
<211> 17	
<212> DNA	
<213> <i>Anguilla japonica</i>	
<400> 56	
ataataactg cattcgt	17
<210> 57	
<211> 19	
<212> DNA	
<213> <i>Meleagris gallopavo</i>	
<400> 57	
tattatggtt cgtacctat	19
<210> 58	

sequences listing.txt

<211> 17

<212> DNA

<213> Meleagris gallopavo

<400> 58

aacctccatg cgaatgg

17

<210> 59

<211> 26

<212> DNA

<213> Meleagris gallopavo

<400> 59

gcagacacca ctcttgatt ctcttc

26

<210> 60

<211> 27

<212> DNA

<213> Meleagris gallopavo

<400> 60

ttctcttctg tggcctacac atgccga

27

<210> 61

<211> 17

<212> DNA

<213> Meleagris gallopavo

<400> 61

tgcctcatca ctcaaatt

17

<210> 62

<211> 18

<212> DNA

<213> Meleagris gallopavo

sequences listing.txt

<400> 62	
cttaaccggc ctcctact	18
<210> 63	
<211> 28	
<212> DNA	
<213> <i>Meleagris gallopavo</i>	
<400> 63	
caggagtagt cttacttctc accctcat	28
<210> 64	
<211> 18	
<212> DNA	
<213> <i>Meleagris gallopavo</i>	
<400> 64	
ctcatcactc aaatctta	18
<210> 65	
<211> 16	
<212> DNA	
<213> <i>Scomber scombrus</i>	
<400> 65	
ctcctcgtaa tgatga	16
<210> 66	
<211> 17	
<212> DNA	
<213> <i>Scomber scombrus</i>	
<400> 66	
ttccttgcaa tgcacta	17
<210> 67	

sequences listing.txt

<211> 19

<212> DNA

<213> **scomber scombrus**

<400> 67

atgaaaacgtc ggtgtagtc

19

<210> 68

<211> 17

<212> DNA

<213> **scomber scombrus**

<400> 68

ggtgttagtcc tcctcct

17

<210> 69

<211> 19

<212> DNA

<213> **scomber scombrus**

<400> 69

tcatccgcaa catgcacgc

19

<210> 70

<211> 33

<212> DNA

<213> **Scomber scombrus**

<400> 70

tacacgccccg acgtcgaatc agcattcaac tca

33

<210> 71

<211> 17

<212> DNA

<213> **Scomber scombrus**

sequences listing.txt

<400> 71
ggttccctgc ttggct 17

<210> 72

<211> 17

<212> DNA

<213> *Anguilla mossambica*

<400> 72
aatggagctt ctttctt 17

<210> 73

<211> 26

<212> DNA

<213> *Anguilla mossambica*

<400> 73
ggactatgtc ttatctctca aatcct 26

<210> 74

<211> 20

<212> DNA

<213> *Canis familiaris*

<400> 74
tatccgctat atgcacgcaa 20

<210> 75

<211> 21

<212> DNA

<213> *Canis familiaris*

<400> 75
ggagtatgtc tgattctaca g 21

<210> 76

sequences listing.txt

<211> 18

<212> DNA

<213> *Canis familiaris*

<400> 76

cggatcctat gtattcat

18

<210> 77

<211> 24

<212> DNA

<213> *Canis familiaris*

<400> 77

acatttggaaat tgtactattat ttcg

24

<210> 78

<211> 16

<212> DNA

<213> *Canis familiaris*

<400> 78

actatttatttc gcaacc

16

<210> 79

<211> 16

<212> DNA

<213> *Canis familiaris*

<400> 79

attatccgct atatgc

16

<210> 80

<211> 16

<212> DNA

<213> *Canis familiaris*

sequences listing.txt

<400> 80
caggtttatt ctttagc 16

<210> 81
<211> 16
<212> DNA
<213> *Canis familiaris*

<400> 81
gcaaccatag ccacag 16

<210> 82
<211> 18
<212> DNA
<213> *Canis familiaris*

<400> 82
aatggcgct tccatatt 18

<210> 83
<211> 16
<212> DNA
<213> *Canis familiaris*

<400> 83
taggagtatg cttgat 16

<210> 84
<211> 16
<212> DNA
<213> *Numida meleagris*

<400> 84
gacccaaatt atcacc 16

<210> 85
Page 19

sequences listing.txt

<211> 19

<212> DNA

<213> Numida meleagris

<400> 85

atcccctccta gcagtctgc

19

<210> 86

<211> 16

<212> DNA

<213> Numida meleagris

<400> 86

atgaccctaaa ttatca

16

<210> 87

<211> 18

<212> DNA

<213> Numida meleagris

<400> 87

tgtcgaaatg tccaaatac

18

<210> 88

<211> 18

<212> DNA

<213> Equus asinus

<400> 88

agacactaca actgcctt

18

<210> 89

<211> 16

<212> DNA

<213> Equus asinus

sequences listing.txt

<400> 89
gctcctacac attcct 16

<210> 90
<211> 17
<212> DNA
<213> Equus asinus

<400> 90
atcagacact acaactg 17

<210> 91
<211> 18
<212> DNA
<213> Equus asinus

<400> 91
tgcctcttta tccacgta 18

<210> 92
<211> 16
<212> DNA
<213> Auxis thazard

<400> 92
ttggcgtagt tcttct 16

<210> 93
<211> 29
<212> DNA
<213> Equus caballus

<400> 93
cagatgaatt atccaccatc tccatgcta 29

<210> 94
Page 21

sequences listing.txt

<211> 23

<212> DNA

<213> Equus caballus

<400> 94

atgtgaacta cagatgaatt atc

23

<210> 95

<211> 25

<212> DNA

<213> Equus caballus

<400> 95

ttctccatt tcttccagta atagc

25

<210> 96

<211> 23

<212> DNA

<213> Equus caballus

<400> 96

tccttagctat atactacaca tca

23

<210> 97

<211> 25

<212> DNA

<213> Equus caballus

<400> 97

gaaatattgg gatttccta tttct

25

<210> 98

<211> 18

<212> DNA

<213> Equus caballus

sequences listing.txt

<400> 98	
gccttcttg gttccctc	18
<210> 99	
<211> 22	
<212> DNA	
<213> Equus caballus	
<400> 99	
tctcatctgt tatacacatc tg	22
<210> 100	
<211> 23	
<212> DNA	
<213> Equus caballus	
<400> 100	
tcacgttagga caaggccttt act	23
<210> 101	
<211> 23	
<212> DNA	
<213> Equus caballus	
<400> 101	
gcctttacta cagtcctac acc	23
<210> 102	
<211> 21	
<212> DNA	
<213> Equus caballus	
<400> 102	
ctttggttcc cacctaggaa t	21
<210> 103	

sequences listing.txt

<211> 16

<212> DNA

<213> Equus caballus

<400> 103

tccccaccttag

16

<210> 104

<211> 19

<212> DNA

<213> Equus caballus

<400> 104

tgcctcttta

ttcacgtag

19

<210> 105

<211> 17

<212> DNA

<213> Euthynnus alletteratus

<400> 105

attgggttag

tacttct

17

<210> 106

<211> 17

<212> DNA

<213> Euthynnus alletteratus

<400> 106

tttgcattta

ctcacac

17

<210> 107

<211> 17

<212> DNA

<213> Euthynnus alletteratus

sequences listing.txt

<400> 107	ggcctgttcc tcgcaat	17
<210> 108		
<211> 16		
<212> DNA		
<213> <i>Euthynnus alletteratus</i>		
<400> 108	gcattttactc acacat	16
<210> 109		
<211> 17		
<212> DNA		
<213> <i>Xiphias gladius</i>		
<400> 109	tatgtattac cctgagg	17
<210> 110		
<211> 30		
<212> DNA		
<213> <i>Xiphias gladius</i>		
<400> 110	gacatcgcgaa cggcctttac atccgttagca	30
<210> 111		
<211> 16		
<212> DNA		
<213> <i>Xiphias gladius</i>		
<400> 111	ccctcctcgg cctctg	16
<210> 112		

sequences listing.txt

<211> 21

<212> DNA

<213> *Xiphias gladius*

<400> 112

ggcctgttcc tcgctataca c

21

<210> 113

<211> 29

<212> DNA

<213> *Xiphias gladius*

<400> 113

tctgttttagc tgcccaagtc ctcacaggc

29

<210> 114

<211> 17

<212> DNA

<213> *Xiphias gladius*

<400> 114

ctcggcctct gtttagc

17

<210> 115

<211> 17

<212> DNA

<213> *Xiphias gladius*

<400> 115

tccttatctat acaaaga

17

<210> 116

<211> 19

<212> DNA

<213> *Xiphias gladius*

sequences listing.txt

<400> 116
catcagacat cgcgacggc 19

<210> 117

<211> 16

<212> DNA

<213> *Gadus morhua*

<400> 117
tgactaattc ggaata 16

<210> 118

<211> 20

<212> DNA

<213> *Gadus morhua*

<400> 118
catgctaattg gtgcctcttt 20

<210> 119

<211> 17

<212> DNA

<213> *Gadus morhua*

<400> 119
ggttcctatc ttttgt 17

<210> 120

<211> 17

<212> DNA

<213> *Phasianus colchicus*

<400> 120
aaacactgga gtcgtcc 17

<210> 121

sequences listing.txt

<211> 16

<212> DNA

<213> *Phasianus colchicus*

<400> 121

gaaatgtgca gtacgg

16

<210> 122

<211> 20

<212> DNA

<213> *Phasianus colchicus*

<400> 122

gtttccctgc tagcagtatg

20

<210> 123

<211> 18

<212> DNA

<213> *Phasianus colchicus*

<400> 123

actggcctcc tattagcc

18

<210> 124

<211> 17

<212> DNA

<213> *Phasianus colchicus*

<400> 124

tgccttatta ctcaaat

17

<210> 125

<211> 18

<212> DNA

<213> *Phasianus colchicus*

sequences listing.txt

<400> 125	
tgtcgaaatg tgcgtac	18
<210> 126	
<211> 17	
<212> DNA	
<213> Struthio camelus	
<400> 126	
accggcgta tcctcct	17
<210> 127	
<211> 20	
<212> DNA	
<213> Struthio camelus	
<400> 127	
tgaaacaccg gcgttatcct	20
<210> 128	
<211> 18	
<212> DNA	
<213> Struthio camelus	
<400> 128	
ttttggatcg ctactagg	18
<210> 129	
<211> 24	
<212> DNA	
<213> Struthio camelus	
<400> 129	
cagtacggat gatttatccg caat	24
<210> 130	

sequences listing.txt

<211> 17

<212> DNA

<213> **Struthio camelus**

<400> 130

cacacatgcc ggaacgt

17

<210> 131

<211> 23

<212> DNA

<213> **Struthio camelus**

<400> 131

tcctactaac attaatagca act

23

<210> 132

<211> 16

<212> DNA

<213> **Struthio camelus**

<400> 132

aattttggat cgctac

16

<210> 133

<211> 20

<212> DNA

<213> **Struthio camelus**

<400> 133

ctaacagggc tcctactagc

20

<210> 134

<211> 16

<212> DNA

<213> **Struthio camelus**

sequences listing.txt

<400> 134 cacagccgac actaca	16
<210> 135	
<211> 18	
<212> DNA	
<213> <i>Felis catus</i>	
<400> 135 ctgtcgcgac gttaatta	18
<210> 136	
<211> 23	
<212> DNA	
<213> <i>Felis catus</i>	
<400> 136 cctacacacctt ctcagagaca tga	23
<210> 137	
<211> 21	
<212> DNA	
<213> <i>Felis catus</i>	
<400> 137 tatctgcctg tacatacatg t	21
<210> 138	
<211> 17	
<212> DNA	
<213> <i>Felis catus</i>	
<400> 138 atttggaaatca tactatt	17
<210> 139	

sequences listing.txt

<211> 23

<212> DNA

<213> *Felis catus*

<400> 139

acagctttta tgggatacgt cct

23

<210> 140

<211> 25

<212> DNA

<213> *Felis catus*

<400> 140

caccggcctc ttttggcca tacac

25

<210> 141

<211> 25

<212> DNA

<213> *Felis catus*

<400> 141

ggaatcatac tattatttac agtca

25

<210> 142

<211> 22

<212> DNA

<213> *Homo sapiens*

<400> 142

accagacgcc tcaaccgcct tt

22

<210> 143

<211> 23

<212> DNA

<213> *Homo sapiens*

sequences listing.txt

<400> 143
tcctcctgct tgcaactata gca 23

<210> 144

<211> 33

<212> DNA

<213> Homo sapiens

<400> 144
ctcaactcctt ggccgcctgccc tgatcctcca aat 33

<210> 145

<211> 20

<212> DNA

<213> Homo sapiens

<400> 145
tccaaatcac cacaggacta 20

<210> 146

<211> 20

<212> DNA

<213> Homo sapiens

<400> 146
atcgccccaca tcactcgaga 20

<210> 147

<211> 17

<212> DNA

<213> Homo sapiens

<400> 147
ctcaccagac gcctcaa 17

<210> 148

sequences listing.txt

<211> 29

<212> DNA

<213> Homo sapiens

<400> 148

ttacggatca tttctctact cagaaacct

29

<210> 149

<211> 18

<212> DNA

<213> Homo sapiens

<400> 149

atctgcctct tcctacac

18

<210> 150

<211> 16

<212> DNA

<213> Homo sapiens

<400> 150

ccatgacta ctcacc

16

<210> 151

<211> 17

<212> DNA

<213> Homo sapiens

<400> 151

tcctccaaat caccaca

17

<210> 152

<211> 17

<212> DNA

<213> Gadus ogac

sequences listing.txt

<400> 152	
catgctaacg gtgcctc	17
<210> 153	
<211> 20	
<212> DNA	
<213> <i>Gadus ogac</i>	
<400> 153	
tttttatttg tctctatata	20
<210> 154	
<211> 19	
<212> DNA	
<213> <i>Gadus ogac</i>	
<400> 154	
tttgtctcta tatacatat	19
<210> 155	
<211> 18	
<212> DNA	
<213> <i>Bison bison</i>	
<400> 155	
cttctactta cagtaata	18
<210> 156	
<211> 18	
<212> DNA	
<213> <i>Bison bison</i>	
<400> 156	
cgggtcttat accttcct	18
<210> 157	

sequences listing.txt

<211> 17

<212> DNA

<213> Lepus europaeus

<400> 157

tccttaactgg cttatTT

17

<210> 158

<211> 23

<212> DNA

<213> Lepus europaeus

<400> 158

ggctctctat tgggattatg cct

23

<210> 159

<211> 18

<212> DNA

<213> Lepus europaeus

<400> 159

aataatccag atcctaac

18

<210> 160

<211> 16

<212> DNA

<213> Lepus europaeus

<400> 160

ctaataatcc agatcc

16

<210> 161

<211> 22

<212> DNA

<213> Lepus europaeus

sequences listing.txt

<400> 161	
gactcattcg ttacttacac gc	22
<210> 162	
<211> 26	
<212> DNA	
<213> <i>Euthynnus pelamis</i>	
<400> 162	
tatacccttg acgtagaatc agcctt	26
<210> 163	
<211> 19	
<212> DNA	
<213> <i>Euthynnus pelamis</i>	
<400> 163	
atttactccc atattggcc	19
<210> 164	
<211> 18	
<212> DNA	
<213> <i>Euthynnus pelamis</i>	
<400> 164	
ctgcatttac tcccatat	18
<210> 165	
<211> 16	
<212> DNA	
<213> <i>Macropus giganteus</i>	
<400> 165	
attctttata tgccta	16
<210> 166	

sequences listing.txt

<211> 16

<212> DNA

<213> **Macropus giganteus**

<400> 166

tctttatatg cctatt

16

<210> 167

<211> 16

<212> DNA

<213> **Macropus giganteus**

<400> 167

ctttggctcg ctacta

16

<210> 168

<211> 16

<212> DNA

<213> **Macropus giganteus**

<400> 168

ttggctcgct actagg

16

<210> 169

<211> 16

<212> DNA

<213> **Macropus giganteus**

<400> 169

atattcttta tatgcc

16

<210> 170

<211> 20

<212> DNA

<213> **Merluccius merluccius**

sequences listing.txt

<400> 170
ctatttcttag cgatacatta 20

<210> 171
<211> 23
<212> DNA
<213> *Merluccius merluccius*

<400> 171
tcctacttat tcatacgagac ctg 23

<210> 172
<211> 17
<212> DNA
<213> *Merluccius merluccius*

<400> 172
aacggcgctt ctttctt 17

<210> 173
<211> 24
<212> DNA
<213> *Merluccius merluccius*

<400> 173
aggcctctgc ttagccgccc aaat 24

<210> 174
<211> 22
<212> DNA
<213> *Merluccius merluccius*

<400> 174
ctcatccgtc gtacacatct gc 22

<210> 175
Page 39

sequences listing.txt

<211> 23

<212> DNA

<213> *Merluccius merluccius*

<400> 175

ggagttgtac tattcctttt agt

23

<210> 176

<211> 19

<212> DNA

<213> *Merluccius merluccius*

<400> 176

ttagccgccc aaatcttaa

19

<210> 177

<211> 34

<212> DNA

<213> *Merluccius merluccius*

<400> 177

cattataccg caaacgtcga gatagcttc tcat

34

<210> 178

<211> 16

<212> DNA

<213> *Bos taurus*

<400> 178

tcaatgtttt ttatct

16

<210> 179

<211> 17

<212> DNA

<213> *Bos taurus*

sequences listing.txt

<400> 179	
tcctctgtta cccatata	17
<210> 180	
<211> 24	
<212> DNA	
<213> Bos taurus	
<400> 180	
gtaatccttc tgctcacagt aata	24
<210> 181	
<211> 17	
<212> DNA	
<213> Macropus rufus	
<400> 181	
ggctcatatc tctacaa	17
<210> 182	
<211> 17	
<212> DNA	
<213> Macropus rufus	
<400> 182	
aggagcctgc ttaatata	17
<210> 183	
<211> 16	
<212> DNA	
<213> Macropus rufus	
<400> 183	
gattgatccg caatct	16
<210> 184	

sequences listing.txt

<211> 16

<212> DNA

<213> *Macropus rufus*

<400> 184

tacggctgat tgatcc

16

<210> 185

<211> 16

<212> DNA

<213> *Oncorhynchus mykiss*

<400> 185

gtttgccaca tctgcc

16

<210> 186

<211> 17

<212> DNA

<213> *Oncorhynchus mykiss*

<400> 186

ctatgttag ctaccca

17

<210> 187

<211> 20

<212> DNA

<213> *Oncorhynchus mykiss*

<400> 187

tataccctccg acatttcaac

20

<210> 188

<211> 16

<212> DNA

<213> *Oncorhynchus mykiss*

sequences listing.txt

<400> 188	
cctggaatat	16
cgaggat	
<210> 189	
<211> 16	
<212> DNA	
<213> Oncorhynchus mykiss	
<400> 189	
tcattcgaaaa	16
catccaa	
<210> 190	
<211> 19	
<212> DNA	
<213> Oncorhynchus mykiss	
<400> 190	
ttgtactttt	19
acttctcac	
<210> 191	
<211> 16	
<212> DNA	
<213> Oncorhynchus mykiss	
<400> 191	
gctcgtacct	16
ctacaa	
<210> 192	
<211> 17	
<212> DNA	
<213> Oncorhynchus mykiss	
<400> 192	
gagttgtact	17
tttacttt	

sequences listing.txt

<210> 193

<211> 20

<212> DNA

<213> *Oncorhynchus mykiss*

<400> 193

cgagatgtta gttacggctg

20

<210> 194

<211> 18

<212> DNA

<213> *Mus musculus*

<400> 194

gtacttctac tgttcgca

18

<210> 195

<211> 16

<212> DNA

<213> *Mus musculus*

<400> 195

caggtctttt ctttagc

16

<210> 196

<211> 17

<212> DNA

<213> *Mus musculus*

<400> 196

tttgggtccc ttctagg

17

<210> 197

<211> 21

<212> DNA

<213> *Mus musculus*

sequences listing.txt

<400> 197
gtctgcctaa tagtccaaat c 21

<210> 198

<211> 21

<212> DNA

<213> *Mus musculus*

<400> 198
atcattacag gtctttctt a 21

<210> 199

<211> 17

<212> DNA

<213> *Mus musculus*

<400> 199
ttccttcatg tcggacg 17

<210> 200

<211> 18

<212> DNA

<213> *Mus musculus*

<400> 200
taatagtcca aatcatta 18

<210> 201

<211> 16

<212> DNA

<213> *Mus musculus*

<400> 201
attggagtagc ttctac 16

sequences listing.txt

<210> 202

<211> 16

<212> DNA

<213> Salmo salar

<400> 202

gagtttact tctact

16

<210> 203

<211> 17

<212> DNA

<213> Salmo salar

<400> 203

taggcctatg tctagcc

17

<210> 204

<211> 18

<212> DNA

<213> Salmo salar

<400> 204

gatgttagct atggctga

18

<210> 205

<211> 16

<212> DNA

<213> Salmo salar

<400> 205

tacttctact tctcac

16

<210> 206

<211> 20

<212> DNA

<213> Salmo salar

sequences listing.txt

<400> 206	
ctcatccgta acattcacgc	20
<210> 207	
<211> 16	
<212> DNA	
<213> Capra hircus	
<400> 207	
tattcataca tatcgg	16
<210> 208	
<211> 19	
<212> DNA	
<213> Oryctolagus cuniculus	
<400> 208	
taggcctgtg ccttataat	19
<210> 209	
<211> 16	
<212> DNA	
<213> Oryctolagus cuniculus	
<400> 209	
attcaaattt tcactg	16
<210> 210	
<211> 18	
<212> DNA	
<213> Oryctolagus cuniculus	
<400> 210	
tctctactag gcctgtgc	18
<210> 211	

sequences listing.txt

<211> 21

<212> DNA

<213> Oryctolagus cuniculus

<400> 211

tcaaattttc actggcctat t

21

<210> 212

<211> 17

<212> DNA

<213> Oryctolagus cuniculus

<400> 212

tgccttataa ttcaaatt

17

<210> 213

<211> 25

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 213

acactacacg tctgatacc a taaca

25

<210> 214

<211> 17

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

<400> 214

ctatttgcag tcatacg

17

<210> 215

<211> 17

<212> DNA

<213> Rattus norvegicus

sequences listing.txt

<400> 215
ggatcctaca ctttcct

17

<210> 216
<211> 22
<212> DNA
<213> Rattus norvegicus

<400> 216
atgcctcata gtacaaaatcc tc

22

<210> 217
<211> 21
<212> DNA
<213> Rattus norvegicus

<400> 217
aacacattggg atcatcctac t

21

<210> 218
<211> 17
<212> DNA
<213> Rattus norvegicus

<400> 218
ttcctccatg tgggacg

17

<210> 219
<211> 16
<212> DNA
<213> Rattus norvegicus

<400> 219
gtatgcctca tagtac
<210> 220

16

<211> 19
<212> DNA

sequences listing.txt

<213> *Salvelinus alpinus*

<400> 220
tcatccggaa tatccacgc

19

<210> 221

<211> 22

<212> DNA

<213> *Salvelinus alpinus*

<400> 221
tggagtagta ttactacttc ta

22

<210> 222

<211> 23

<212> DNA

<213> *Salvelinus alpinus*

<400> 222
ggcctatgtt tggccaccca aat

23

<210> 223

<211> 23

<212> DNA

<213> *Salvelinus alpinus*

<400> 223
tacttctaac tataatgact gcc

23

<210> 224

<211> 16

<212> DNA

<213> *Salvelinus alpinus*

<400> 224
ttggttcaact cttagg

16

sequences listing.txt

<210> 225

<211> 18

<212> DNA

<213> *Salvelinus alpinus*

<400> 225

ttttcctctg tgtgccat

18

<210> 226

<211> 21

<212> DNA

<213> *Salvelinus alpinus*

<400> 226

cctctgtgtg cccatatctgc c

<210> 227

21

<211> 16

<212> DNA

<213> *Salvelinus fontinalis*

<400> 227

tattattact tctcac

16

<210> 228

<211> 25

<212> DNA

<213> *Salvelinus fontinalis*

<400> 228

tattgggtta gtattattac ttctc

25

<210> 229

<211> 19

<212> DNA

<213> *Salvelinus fontinalis*

sequences listing.txt

<400> 229	
tctgtatgcc acatttgtc	19
<210> 230	
<211> 20	
<212> DNA	
<213> <i>Salvelinus fontinalis</i>	
<400> 230	
ctcactataa tgacagcttt	20
<210> 231	
<211> 23	
<212> DNA	
<213> <i>Salvelinus fontinalis</i>	
<400> 231	
tccgatattt cgacagcttt ttc	23
<210> 232	
<211> 20	
<212> DNA	
<213> <i>Salvelinus fontinalis</i>	
<400> 232	
atttatatgc atatcgcccg	20
<210> 233	
<211> 26	
<212> DNA	
<213> amorce sequence CDL	
<400> 233	
ccatccaaca tctcagcatg atgaaa	26
<210> 234	

sequences listing.txt

<211> 58

<212> DNA

<213> amorce sequence CBHT7

<400> 234

gaaattaata cgactcacta tagggagacc acacccctca gaatgatatt tgtcctca 58

<210> 235

<211> 14

<212> DNA

<213> Bos taurus

<400> 235

gacacaacaa cagc 14

<210> 236

<211> 14

<212> DNA

<213> Gallus gallus

<400> 236

tcccttagcct tctc 14

<210> 237

<211> 14

<212> DNA

<213> Gallus gallus

<400> 237

acacattgcgg gaac 14

<210> 238

<211> 14

<212> DNA

<213> Bos taurus

sequences listing.txt

<400> 238
atagccacag catt 14

<210> 239

<211> 14

<212> DNA

<213> *Gadus morhua*

<400> 239
ataataacct cttt 14

<210> 240

<211> 20

<212> DNA

<213> *amorce sequence CBL* 20

<400> 240
gacctcccaag ccccatcaaa 20

<210> 241

<211> 53

<212> DNA

<213> *amorce séquence CBHT7* 20

<400> 241
gaaattaata cgactcacta tagggagacc acacagaatg atatttgc tca 53

<210> 241

<211> 23

<212> DNA

<213> *Anguilla rostrata*

<400> 242
tgcctataacc ttcacattgc ccg 23

<210> 243

<211> 17

sequences listing.txt

<212> DNA

<213> **Auxis thazard**

<400> 243

attggcgttag ttcttct

17

<210> 244

<211> 17

<212> DNA

<213> **Euthynnus alletteratus**

<400> 244

ggcctgttcc tcgcaat

17

<210> 245

<211> 19

<212> DNA

<213> **Euthynnus alletteratus**

<400> 245

tttgcattta ctcacacat

19

<210> 246

<211> 32

<212> DNA

<213> **Euthynnus alletteratus**

<400> 246

aacattggtg tagtacttct actccttagta at

32

<210> 247

<211> 25

<212> DNA

<213> **Euthynnus alletteratus**

<400> 247

acttctactc ctagtaatga taacc

25

<210> 248

sequences listing.txt

<211> 17	
<212> DNA	
<213> <i>Gadus ogac et Gadus macrocephalus</i>	
<400> 248	
catgctaaacg gtgcctc	17
<210> 249	
<211> 26	
<212> DNA	
<213> <i>Gadus ogac et Gadus macrocephalus</i>	
<400> 249	
tttttatttg tctctatata catatt	26
<210> 250	
<211> 30	
<212> DNA	
<213> <i>Gadus ogac et Gadus macrocephalus</i>	
<400> 250	
tatTTgtctc tatatacata ttgcccgagg	30
<210> 251	
<211> 17	
<212> DNA	
<213> <i>Rangifer tarandus</i>	
<400> 251	
tcctctgtta ctcacat	17
<210> 252	
<211> 17	
<212> DNA	
<213> <i>Rangifer tarandus</i>	
<400> 252	
cgagacgtca attatgg	17

sequences listing.txt

<210> 253

<211> 25

<212> DNA

<213> Rangifer tarandus

<400> 253

gatcctctta tttacagtaa tagct

25

<210> 254

<211> 34

<212> DNA

<213> Rangifer tarandus

<400> 254

aatattggag tgatcctctt atttacagta atag

34

<210> 255

<211> 29

<212> DNA

<213> Salmo trutta et Salmo trutta fario

<400> 255

aatatcggag tcgtactgct acttctcac

29

<210> 256

<211> 17

<212> DNA

<213> Salmo salar

<400> 256

taggcctatg tctagcc

17

<210> 257

<211> 19

<212> DNA

<213> Salmo salar

<400> 257

gatgttagct atggctgac

<210> 258

<211> 20

<212> DNA

<213> Salmo salar

<400> 258

ctcatccgta acattcacgc

20

<210> 259

<211> 22

<212> DNA

<213> Salmo salar

<400> 259

gagttgtact tctacttctc ac

22

<210> 260

<211> 26

<212> DNA

<213> Salmo salar

<400> 260

tttattatgg ttcctatcta tataaa

26

<210> 261

<211> 23

<212> DNA

<213> Thunnus thynnus

<400> 261

cttatttctc agatccttac agg

23

<210> 262

<211> 15

<212> DNA

<213> Bos taurus

sequences listing.txt

<400> 262
ctaatcctac aaatc

15

<210> 263

<211> 15

<212> DNA

<213> Bos taurus

<400> 263
agcttcaatg ttttt

15

<210> 264

<211> 15

<212> DNA

<213> Gallus gallus

<400> 264
cggcctacta ctagc

15

<210> 265

<211> 15

<212> DNA

<213> Gallus gallus

<400> 265
cacatcccta gcctt

15

<210> 266

<211> 15

<212> DNA

<213> Gallus gallus

<400> 266
gccccacactt gccgg

15

<210> 267

<211> 15

<212> DNA

<213> Gallus gallus

sequences listing.txt

<400> 267	
ttgccggaac gtaca	15
<210> 268	
<211> 15	
<212> DNA	
<213> Gallus gallus	
<400> 268	
gaacgtacaa tacgg	15
<210> 269	
<211> 15	
<212> DNA	
<213> Gallus gallus	
<400> 269	
tgaaacacacag gagta	15
<210> 270	
<211> 15	
<212> DNA	
<213> Gadus morhua	
<400> 270	
tcagacatcg agaca	15
<210> 271	
<211> 15	
<212> DNA	
<213> Gadus morhua	
<400> 271	
gtaataataa cctct	15
<210> 272	
<211> 18	
<212> DNA	

sequences listing.txt

<213> amorce

<220>
<221> misc_feature
<222> (4)
<223> n est I

<400> 272
agangcnccg tttgcgtg

18

<210> 273

<211> 20

<212> DNA

<213> amorce

<220>
<221> misc_feature
<222> (16)
<223> n est I

<400> 273
ttcttcttta tctgtntcta

20

<210> 274

<211> 15

<212> DNA

<213> amorce

<220>
<221> misc_feature
<222> (4)
<223> N EST I

<400> 274
rtcngrcar atgtg

15

<210> 275

<211> 23

<212> DNA

<213> amorce

<220>
<221> misc_feature

sequences listing.txt

<222> (3)
<223> N est I

<220>
<221> misc_feature
<222> (12)
<223> N est I

<220>
<221> misc_feature
<222> (18)
<223> N est I

<400> 275
gttaaytwyg gntgactnat ccg

23

<210> 276

<211> 20

<212> DNA

<213> amorce

<400> 276
cagaatgata tttgtcctca

20